

POLMONE

<p>Paziente (etichetta) Nome e cognome </p> <p>Data di nascita </p> <p>Indirizzo (via, NPA, località) </p> <p><input type="checkbox"/> femmina <input type="checkbox"/> maschio</p> <p><input type="checkbox"/> degente <input type="checkbox"/> ambulatoriale</p>	<p>Medico richiedente (timbro)</p> <p>Copia del referto a: 1. 2. 3.</p>
---	---

Assicurazione Malattia:

Numero assicurato:

Data della richiesta:

Motivo della richiesta:

- Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico
- Ricerca di specifici target terapeutici
- Monitoraggio
- Altro:

Materiale:

Campione istologico, numero referto:

Campione citologico, numero referto:

Sede:

Diagnosi:

Note:

Biopsia Liquida*

Osservazioni

*Il campione deve pervenire entro 24h dal prelievo: accordarsi preventivamente con il laboratorio tel. +41 (0)91 811 42 01, laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch

Via in Selva 24 – 6601 Locarno – Tel +41 (0)91 811 42 01 – laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch

Profilo genico tumorale - richiesta di analisi per specifica sede e/o neoplasia**Polmone**

- Ion AmpliSeq Lung Cancer Panel v2* (NGS - mutazioni in 22 geni, inclusi EGFR, BRAF, ERBB2, KRAS e FGFR)
- Archer FusionPlex* (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi ALK, ROS1, RET, MET, NTRK e FGFR)

Altre analisi

- Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico¹*
- Oncomine Tumor Mutation Load Assay* (NGS - ricerca valore Tumor Mutation Burden e mutazioni in 409 geni)
- Oncomine Comprehensive Assay v3* (NGS - varianti in 146 geni, inclusi BRCA, FGFR e geni HRD)
- Instabilità microsatelliti* (metodica PCR) + espressione proteine MMR (metodica IHC)
- HER2* (amplificazione genica con metodica FISH)
- MET* (amplificazione genica con metodica FISH)
- CDKN2A* (perdita allelica con metodica FISH)
- DPYD*

Biopsia liquida

- Oncomine Lung cfDNA Assay* (NGS - mutazioni in 11 geni, inclusi EGFR, BRAF, ERBB2 e KRAS)

- Altro**

¹ Ricerca allargata di qualsiasi target terapeutico, analisi incluse:

Oncomine Comprehensive Assay v3 (NGS - varianti in 146 geni, inclusi BRCA e geni HRD)

Archer FusionPlex (NGS - fusioni in 14 geni, inclusi ALK, ROS1, RET, MET, NTRK e FGFR)

Instabilità microsatelliti (metodica PCR) + espressione proteine MMR (metodica IHC)

- Per il dettaglio dei geni inclusi nei pannelli Next Generation Sequencing (NGS) e dei tipi di alterazioni molecolari, consultare la pagina <https://www.eoc.ch/patologia/medici/esami-patologia-molecolare.html>
- Inviare il formulario di richiesta compilato all'indirizzo email laboratoriopatologiamolecolare.ICP@eoc.ch
- Il laboratorio si riserva la possibilità di scegliere la metodica più appropriata.